

---

# Identification de chaînes de réactions dans des réseaux métaboliques et génomiques pour la comparaison d'espèces

Florent Cabret<sup>\*1</sup>, Ronan Bocquillon<sup>2</sup>, and Emmanuel Néron

<sup>1</sup>Laboratoire d'Informatique Fondamentale et Appliquée de Tours – Université de Tours, Institut National des Sciences Appliquées - Centre Val de Loire, Centre National de la Recherche Scientifique – 64, Avenue Jean Portalis, 37200 Tours, France

<sup>2</sup>Laboratoire d'Informatique Fondamentale et Appliquée de Tours – Université de Tours, Institut National des Sciences Appliquées - Centre Val de Loire – 64, Avenue Jean Portalis, 37200 Tours, France

## Résumé

Pour comprendre le fonctionnement des organismes vivants, les biologistes ont commencé par étudier séparément leurs composants biologiques. Cette approche ne suffit pas pour des organismes complexes et les biologistes s'intéressent désormais à l'étude des relations entre ces composants en comparant les réseaux. Dans la continuité de travaux de la littérature, nous nous intéressons ici à l'étude conjointe de réseaux métaboliques et génomiques. Nous cherchons à identifier des marqueurs d'espèce en vue de leur comparaison.

---

\*Intervenant